

RESUMEN

Autor [Roca Infante, L.A.](#)

Autor corporativo [Universidad Nacional Agraria La Molina, Lima \(Peru\). Facultad de Ciencias](#)

Título **Análisis de la diversidad genética de papas nativas de la zona suroeste del departamento de Junín mediante el uso de marcadores moleculares microsatélites**

Impreso Lima : UNALM, 2015

Copias

Ubicación	Código	Estado
Sala Tesis	F30. R623 - T	USO EN SALA
Descripción	91 p. : 14 fig., 17 tablas, 90 ref. Incluye CD ROM	
Tesis	Tesis (Biólogo)	
Bibliografía	Facultad : Ciencias	
Sumario	Sumario (Es)	
Materia	PAPAS NATIVAS JUNIN (DPTO) DIVERSIDAD GENETICA SOLANUM TUBEROSUM VARIEDADES INDIGENAS VARIACION GENETICA BIODIVERSIDAD RECURSOS GENETICOS MARCADORES GENETICOS MICROSATELITES ZONA DE MONTAÑA EVALUACION PERU	
Nº estándar	PE2016000394 B / M EUVZ F30	

El departamento de Junín es conocido por ser uno de los lugares con mayor diversidad de papa cultivada en el Perú, sus variados rangos de climas y ecosistemas ha permitido la adaptación y la proliferación de una gran diversidad de papas. Sin embargo esta diversidad no ha sido completamente estudiada en el campo y es necesario investigaciones sistemáticas que permitan estimar la verdadera diversidad existente en el campo y así poder diferenciar está en posteriores años. La caracterización genética utilizando marcadores

microsatélites (SSR) se realizó en 444 cultivares de papas nativas de la región sur oeste del departamento de Junín, 7 comunidades de la región fueron estudiadas junto con los agricultores. Se utilizaron 21 pares de iniciadores SSR presentándose 158 bandas polimórficas para toda la población. Se encontraron 32 alelos raros ($f < 1\%$) y 27 escasos ($1\% < f < 5\%$). Así mismo los valores de heterocigocidad se encontraron entre 0.64 y 0.70 siendo el promedio para las comunidades de 0.67. Se encontraron además 14 haplotipos compartidos, siendo la mayoría de estos encontrados dentro de la comunidad de Masmachicche. Los agrupamientos por disimilitud permitieron observar que no existe una agrupación específica por comunidades, siendo la diversidad entre estas distinta y diversas. Esta última observación se corroboró en el análisis AMOVA, que permitió comprender que la diversidad entre las comunidades en base a sus frecuencias alélicas es baja, sin embargo dentro de cada comunidad es alta.

ABSTRACT

The department of Junín is known for being one of the places that has the major diversity of cultivated potato in Perú, their different climate conditions and ecosystems have allowed the proliferation of a great diversity of cultivated potatoes. However, this diversity has not completely studied in situ and it is necessary to do systematic research to understand and estimate accurately it. The genetic characterization using SSR markers was performed in 444 cultivars of native potatoes which were from the Southwest region of Junín and 7 highland communities which were studied in association with the housekeepers. Twenty-three pairs of SSR primers were used and 158 polymorphic allelic bands were found. Thirty-four of alleles were categorized as rare ($f < 1\%$) and thirty-nine as scarce ($1\% < f < 5\%$). Additionally, the proportion of values for heterocigosity to each community was ranged from 0.64 to 0.70 and averaged 0.67. Also, eighteen shared haplotypes were found and approximately the majority of this belonging to Masmachicche community. The tree based on dissimilarity distance showed not specific arrange of branches for the diversity found between and within the highland communities. This was confirmed by AMOVA that found that 98% of the diversity was in the highland communities and only less than 2% among communities.