**RESUMEN**

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
|

|  |  |
| --- | --- |
| **Autor** | [**Salavarría Palma, E.A.**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/aSalavarr%7bu00ED%7da+Palma%2C+E.A./asalavarria+palma+e+a/-3,-1,0,B/browse)  |
| **Autor corporativo** | [**Universidad Nacional Agraria La Molina, Lima (Peru). Escuela de Post Grado, Maestría en Ecología Aplicada**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/aUniversidad+Nacional+Agraria+La+Molina%2C+Lima+%28Peru%29.++Escuela+de+Post+Grado%2C+Maestr%7bu00ED%7da+en+Ecolog%7bu00ED%7da+Aplicada/auniversidad+nacional+agraria+la+molina+lima+peru+escuela+de+post+grado+maestria+en+ecologia+aplicada/-3,-1,0,B/browse)  |

 |

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|

|  |  |
| --- | --- |
| Título | **Análisis de la variabilidad genética de Macrocystis spp. (Laminariales) en la costa centro sur del Perú, empleando marcadores mitocondriales** |

 |

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|

|  |  |
| --- | --- |
| **Impreso** | Lima : UNALM, 2014 |

 |

**Copias**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Ubicación**  | **Código**  | **Estado**  |
|  Sala Tesis  |  [**F30. S3439 - T**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/cF30.+S3439+-+T/cf++++30+s3439+t/-3,-1,,E/browse)   |  USO EN SALA  |
|

|  |  |
| --- | --- |
| **Descripción** | 112 p. : 16fig., 68 cuadros, 222 ref. Incluye CD ROM |
| **Tesis** | Tesis (Mag Sc) |
| **Bibliografía** | Post Grado : Ecología Aplicada |
| **Sumario** | Sumarios (En, Es) |
| **Materia** | [**MACROCYSTIS**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dMACROCYSTIS/dmacrocystis/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**ALGAS MARINAS**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dALGAS+MARINAS/dalgas+marinas/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**VARIACION GENETICA**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dVARIACION+GENETICA/dvariacion+genetica/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**MARCADORES GENETICOS**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dMARCADORES+GENETICOS/dmarcadores+geneticos/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**TECNICAS ANALITICAS**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dTECNICAS+ANALITICAS/dtecnicas+analiticas/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**EVALUACION**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dEVALUACION/devaluacion/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**PERU**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dPERU/dperu/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**MACROALGAS PARDAS**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dMACROALGAS+PARDAS/dmacroalgas+pardas/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**COSTA CENTRO SUR**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dCOSTA+CENTRO+SUR/dcosta+centro+sur/-3,-1,0,B/browse)  |
|  | [**MARCADORES MITOCONDRIALES**](http://ban.lamolina.edu.pe/search~S1%2Aspi?/dMARCADORES+MITOCONDRIALES/dmarcadores+mitocondriales/-3,-1,0,B/browse)  |
| **Nº estándar** | PE2016000191 B / M EUVZ F30; M40 |

 |

Las macroalgas pardas son consideradas recursos hidrobiológicos con una significativa importancia ecológica, económica y social. Numerosos pescadores, en el sur de Perú y norte de Chile dependen de la recolección y cosecha de estos recursos para su sustento. Regulaciones Ministeriales establecen vedas que prohíben la actividad extractiva de macroalgas pardas; dada la deficiente recuperación en las poblaciones y extracción de ejemplares adultos. Estudios moleculares recientes en costa Sudamericana han determinado que *Macrocystis* tiene muy poca variabilidad genética, aunque muestras obtenidas en dos localidades de Perú presentan un patrón genético distinto. Se realizó colectas en el Callao, Ica y Arequipa, tomando un promedio de 10 individuos en 8 localidades muestreadas, para la extracción de ADN, amplificación por PCR y secuenciación, usando marcadores mitocondriales ITS y COI. Los resultados indicaron que *Macrocystis pyrifera* y *M. integrifolia* son una misma especie, la estructura genética de las poblaciones muestreadas de *Macrocystis* mostró una baja variabilidad genética y sugieren que estos ecomorfos provienen de un antecesor en común (Mpyr1). De acuerdo con los análisis de las secuencias, las muestras presentaron baja diversidad haplotípica entre He= 0,500 – 0,800 y π=0,00253 – 0,00458 y alto flujo de genes. Este estudio encontró haplotipos más frecuentes en las localidades de Bahía Independencia, San Juan de Marcona y Callao. Aunque los resultados obtenidos con COI asumen un alto número de haplotipos, probablemente a la deficiente calidad de las secuencias obtenidas. No obstante, permitió observar la utilidad de este marcador. Finalmente, se obtuvo dos nuevos y únicos haplotipos correspondientes a poblaciones en San Juan de Marcona y Callao, estos datos proporciona información útil e importante a nivel molecular para la aplicación de estrategias en el manejo y conservación del recurso *Macrocystis* en el Perú.

**Palabras claves:** *Macrocystis pyrifera*, Haplotipo, Variabilidad genética.